

Molekulare Algorithmen

Chemische Digitalcomputermodelle für endliche Automaten
und Registermaschinen sowie praktische Anwendungen

Thomas Hinze

Vorlesung und Projektübung an der Friedrich-Schiller-Universität Jena
Fakultät Mathematik und Informatik sowie
Fakultät für Biowissenschaften, Lehrstuhl Bioinformatik

`thomas.hinze@uni-jena.de`



Analogcomputer sind gebaut und eingesetzt worden



150 BC

Antikythera-
Mechanismus



AKAT-1



Newmark



Sowjetischer
Wassercomputer
bis ca. 1980



Rechenchieber

1650

1960



X-15



1970

Bilder: www.wikimedia.org

Analogcomputer mit mannigfaltigen *Funktionsprinzipien* wurden für *arithmetische Berechnungen* (z.B. Flugbahnen) und zum *numerischen Lösen von Differentialgleichungen* verwendet

Vorteile von Analogcomputern

- kontinuierliche *Signalwerte direkt als Rechengrößen* abbildbar
- enger Zusammenhang („*Analogie*“) zwischen zu *simulierendem* Originalsystem und Computermodell (*similar* $\hat{=}$ *ähnlich*)
- vergleichsweise *einfacher Aufbau*, Funktionsprinzip folgt unmittelbar den Berechnungen
- häufig *Echtzeitfähigkeit* und hohe Ausführungsparallelität
- kein Takt notwendig



Vorteile von Analogcomputern

- kontinuierliche *Signalwerte direkt als Rechengrößen* abbildbar
- enger Zusammenhang („*Analogie*“) zwischen zu *simulierendem* Originalsystem und Computermodell (*similar* $\hat{=}$ *ähnlich*)
- vergleichsweise *einfacher Aufbau*, Funktionsprinzip folgt unmittelbar den Berechnungen
- häufig *Echtzeitfähigkeit* und hohe Ausführungsparallelität
- kein Takt notwendig



Aber: *hohe Störanfälligkeit* der Signale und *geringe Genauigkeit* (selten höher als vier zuverlässige Dezimalstellen),
Berechnungsvorschrift durch Hardwarestruktur repräsentiert

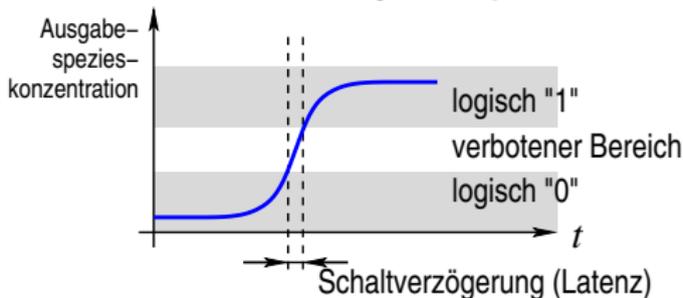
Vorzüge digitaler Technik

- hohe *Robustheit* gegenüber Signalstörungen und -schwankungen
 - *Genauigkeit* der Zahlendarstellung kann weitgehend frei festgelegt werden auf definierbarem diskreten Wertebereich
 - Wertebereichsüberschreitungen gefährden nicht die *Funktionsfähigkeit* des Gesamtsystems, sondern lassen sich abfangen
 - klar voneinander abgrenzbare zeitdiskrete *Operationsschritte* in den ausgeführten Rechengvorgängen
 - *Programmierbarkeit* unabhängig von Hardwarestruktur möglich und mithin algorithmisch flexibel anpassbar
- ⇒ *Analogverarbeitung* weiterhin genutzt in vielen *Regelkreisen*, weil dort Störeinflüsse kontinuierlich minimiert werden

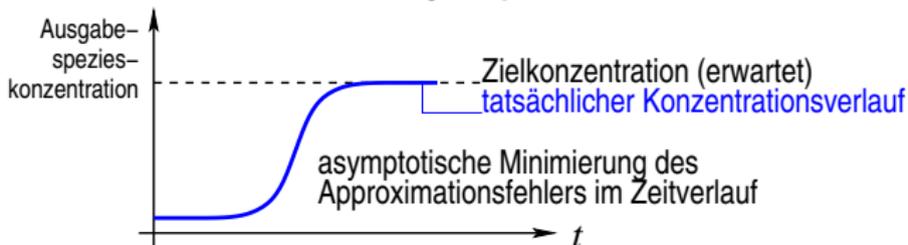
Digitale Verarbeitung erfordert Diskretisierung

zusätzliche Interpretationsebene zwischen Signalwert und Rechenwert

chemisches Digitalcomputermodell



chemisches Analogcomputermodell

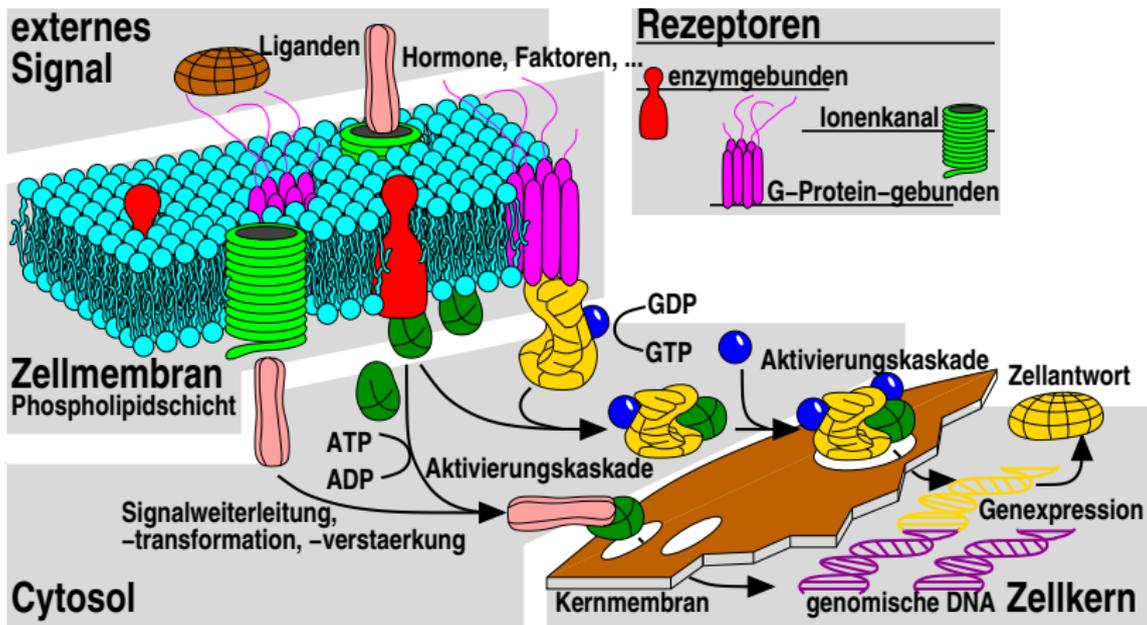


redundante **Zusammenfassung** von Signalwerten zu logischem Wert

Chemische Digitalcomputer

Grundlagen der Zellsignalverarbeitung

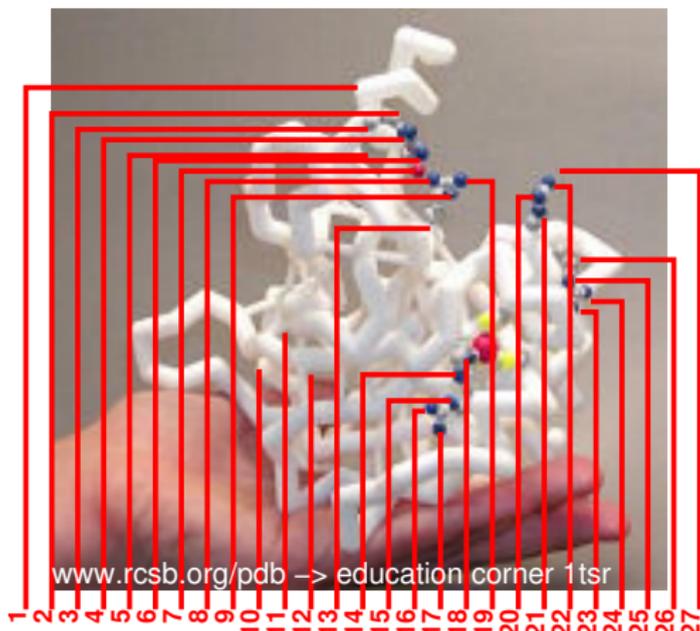
Signalverarbeitung in eukaryotischen Zellen



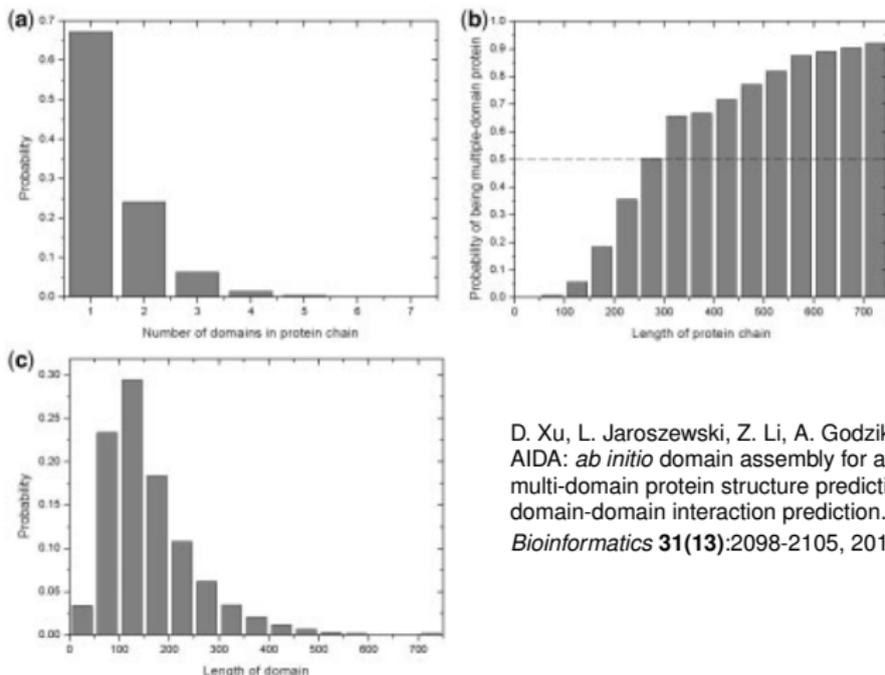
Zellsignalverarbeitung erfolgt zumeist *diskret* bzw. *digital*, indem *Proteine* schrittweise *aktiviert*, also mit *Liganden* (z.B. Phosphatgruppen) versehen werden oder *Proteinkomplexe* bilden

Proteine besitzen Bindungsdomänen für Liganden

- z.B. Tumorsuppressorprotein *p53* besitzt 27 Phosphorylierungsstellen
- damit bis zu $2^{27} = 134.217.728$ unterscheidbare Aktivierungszustände
- jeder Zustand eineindeutig durch molekulare Struktur (eigene chemische Spezies) repräsentiert vergleichbar einer Bitkette aus 27 Bits



Verteilung der Anzahl Bindungsdomänen pro Protein

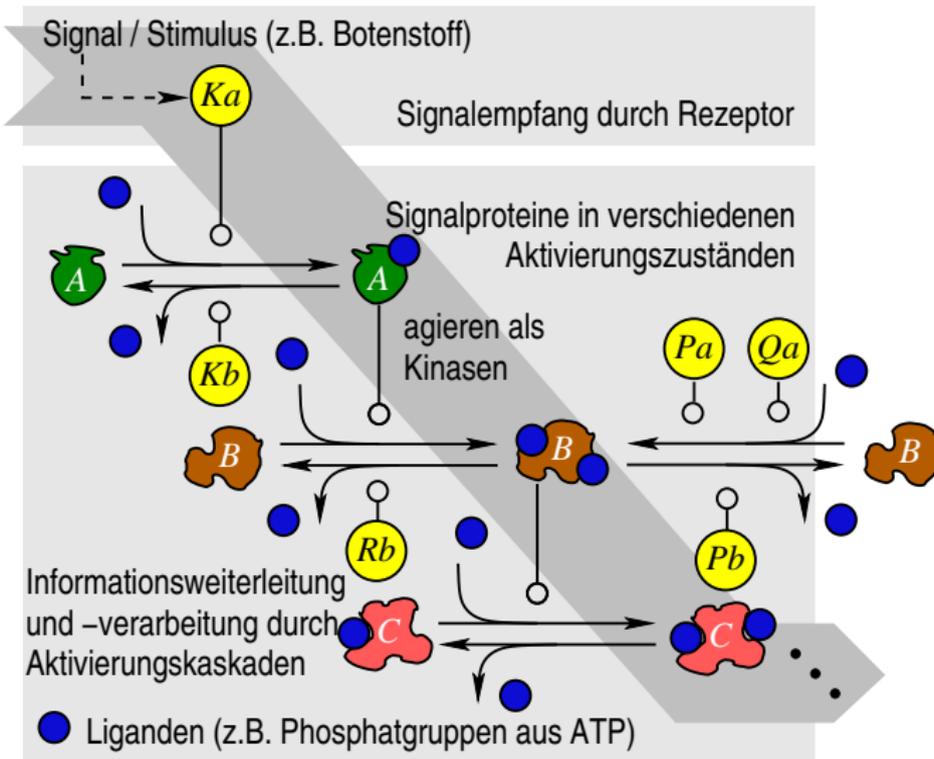


D. Xu, L. Jaroszewski, Z. Li, A. Godzik.
 AIDA: *ab initio* domain assembly for automated
 multi-domain protein structure prediction and
 domain-domain interaction prediction.
Bioinformatics **31(13)**:2098-2105, 2015

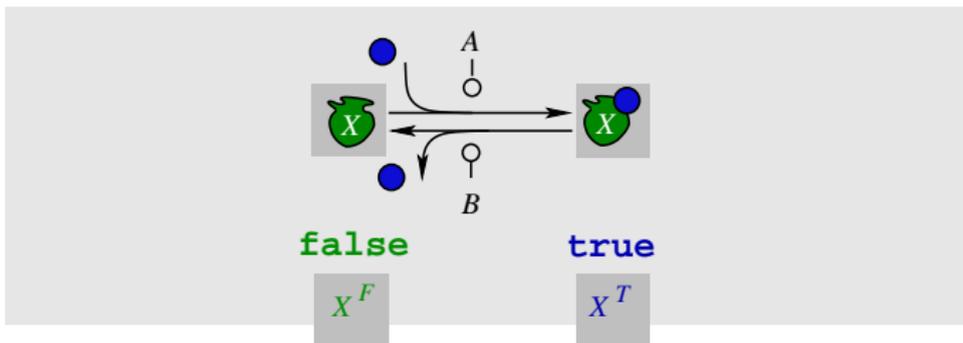
Datenbasis: ca. **130.000** in der *Protein Data Base* (PDB) strukturell erfasste Proteine (2015). **(a)**: davon ca. 66% eine Domäne, ca. 24% zwei Domänen, ca. 6% drei Domänen, ca. 4% vier oder mehr Domänen

Zellsignalkaskade aktiviert Signalproteine sukzessiv

Fiktives Beispiel dreistufige Kaskade – Informationsfluss über Aktivierungszustände



Aktivierungszustände bilden boolesche Kodierung

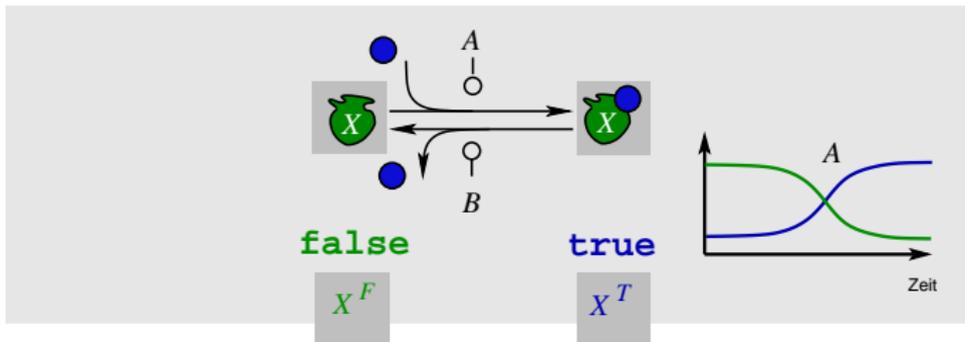


- Betrachten wir ein (fiktives) Signalprotein X .
- Deaktiviertes Protein X^F steht für den booleschen Wert **false**
- Aktiviertes Protein X^T steht für den booleschen Wert **true**
- Für die Stoffkonzentrationen gilt $[X^F] + [X^T] = \text{const.}$ sowie:

$$\begin{aligned} \text{false} & \text{ gdw. } [X^F] \gg [X^T] \\ \text{true} & \text{ gdw. } [X^T] \gg [X^F] \end{aligned}$$

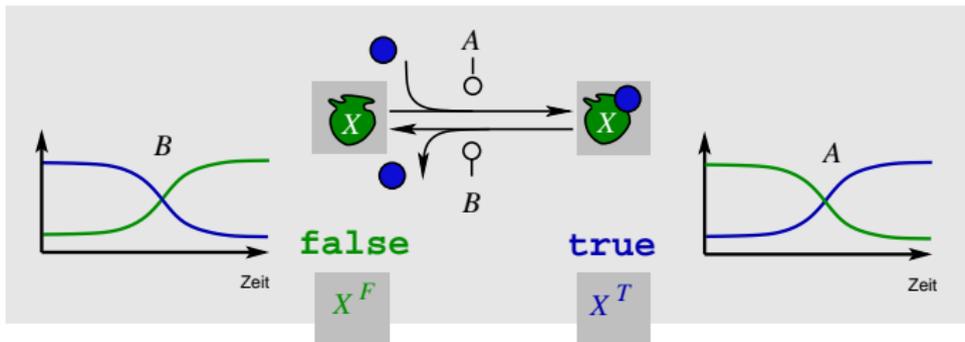
- \gg bedeutet hier: mindestens zehnmal mehr

Aktivierungszustände bilden boolesche Kodierung



- Umschalten von **false** nach **true**
- ausgelöst durch Anwesenheit von Schaltenzym A
- $X^F + A \rightarrow X^T + A$
- Liganden und mögliche Hilfsstoffe nicht explizit notiert
- Modellierung typischerweise durch eine Sättigungskinetik

Aktivierungszustände bilden boolesche Kodierung



- Umschalten von **true** nach **false**
- ausgelöst durch Anwesenheit von Schaltenzym B
- $X^T + B \rightarrow X^F + B$
- Liganden und mögliche Hilfsstoffe nicht explizit notiert
- Modellierung typischerweise durch eine Sättigungskinetik

Chemische Digitalcomputer

Logikgatter, RS-Flip-Flops und Taktgenerator

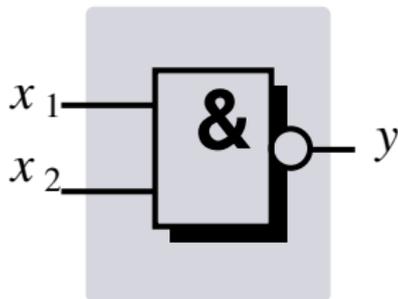
Logikgatter als Grundbausteine von Computern

"Beliebig verschaltbare NAND-Logikgatter, ein Taktgenerator und Signalwege sind alles, was man braucht, um einen Computer zu bauen, der eine beliebige algorithmisch lösbare Aufgabe erledigen kann."

Grunderkenntnis der Hardwareentwicklung

NAND-Verknüpfung als universelles Gatter

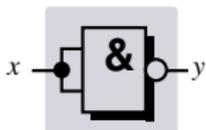
x_1	x_2	y
0	0	1
0	1	1
1	0	1
1	1	0



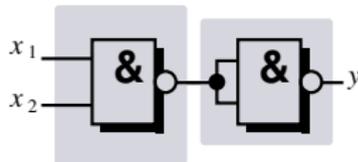
- Boolesche Notation: $y = \overline{x_1 \cdot x_2} = \overline{x_1} \vee \overline{x_2}$
- Eine 0 (**false**) an einem Eingang setzt sich stets durch und bewirkt eine 1 (**true**) am Ausgang.
- Bei $x_1, x_2, y \in \{0, 1\}$ arithmetische Entsprechung: $y = 1 - x_1 \cdot x_2$
- Mithilfe von hintereinandergeschalteten NAND-Gattern lassen sich sowohl Negation als auch UND-Verknüpfung und ODER-Verknüpfung realisieren.
- NAND gilt deshalb (ebenso wie NOR) als universelles Gatter.

Simulation von Negation, UND, ODER durch NAND

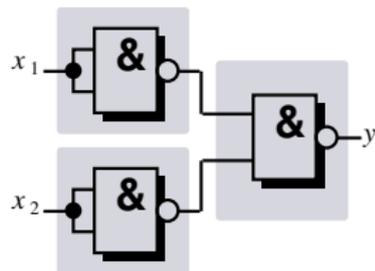
Negation	UND	ODER
$y = \bar{x}$ $= \overline{x \cdot x}$	$y = x_1 \cdot x_2$ $= \overline{\overline{x_1 \cdot x_2}}$	$y = x_1 \vee x_2$ $= \overline{\overline{x_1 \vee x_2}}$ $= \overline{\overline{x_1} \cdot \overline{x_2}}$



NICHT

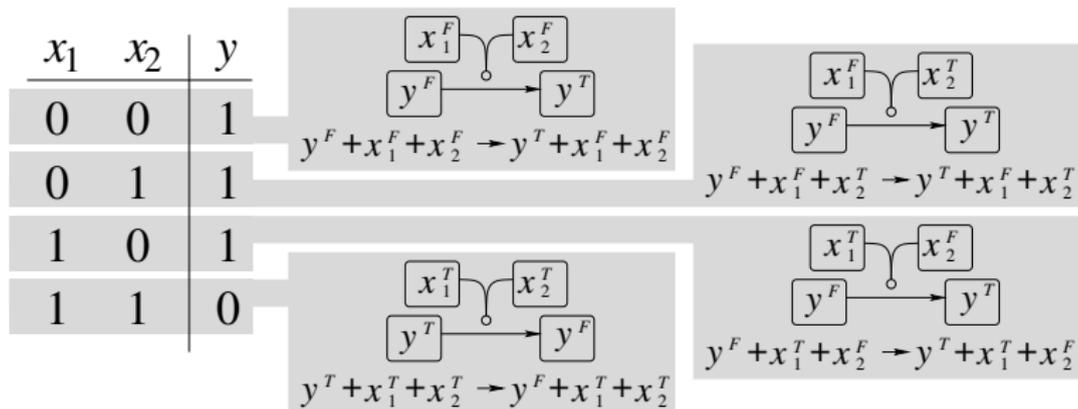


UND



ODER

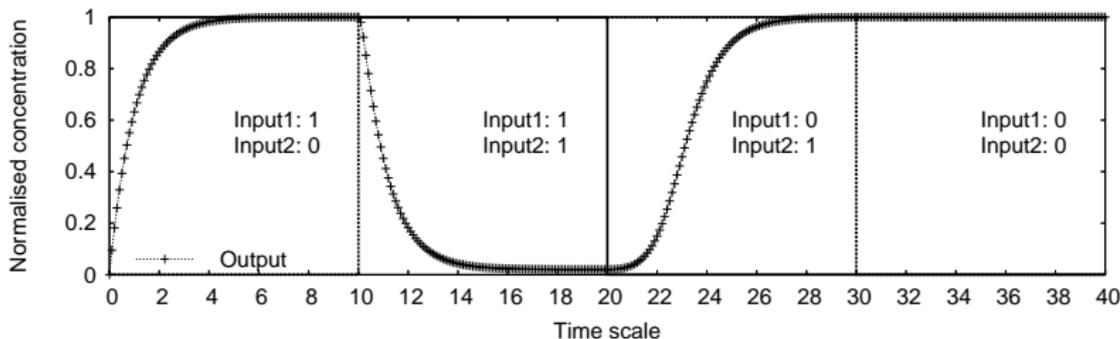
Chemisches NAND-Gatter (mit Katalysatoren)



- Eingänge bilden Schaltenzyme für Ausgabe
- zulässige Initialisierungen gemäß Belegungstabelle
- schnelles Schaltverhalten über hohe Konstanten k
- Eingabe x_1, x_2 bleibt erhalten (nicht chemisch abgebaut)
- alle binären Funktionen nach diesem Prinzip realisierbar

J. Decraene, T. Hinze. A Multidisciplinary Survey of Computational Techniques for the Modelling, Simulation and Analysis of Biochemical Networks. *Journal of Universal Computer Science* **16(9)**:1152-1175, 2010

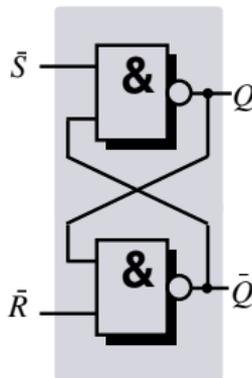
Schaltverhalten des chemischen NAND-Gatters



- Modellierung der enzymatischen Reaktionen mit Hill-Kinetik ($n = 2$)
- Bei $t = 10, 20, 30$ Eingangskonzentrationen *sprunghaft* verändert
- Beobachtung, wie Ausgangssignal darauf reagiert (*Sprungantwort*)
- logischer Wert 0 (**false**) *bis* 10% des maximal erreichbaren Signalwerts
- logischer Wert 1 (**true**) *mindestens* 90% des maximal erreichbaren Signalwerts
- *Gatter-Latenzzeit* in Abhängigkeit der Ratenkonstanten und Reaktionsparameter experimentell bestimmbar (hier: 5 Zeiteinheiten)

NAND-basiertes RS-Flip-Flop als 1-Bit-RAM-Speicher

\bar{S}	\bar{R}	Q



NAND

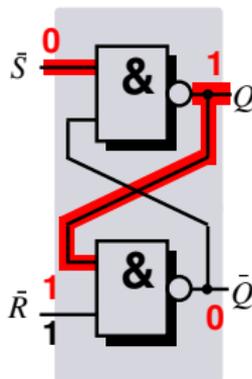
x_1	x_2	y
0	0	1
0	1	1
1	0	1
1	1	0

0 am Eingang
setzt sich durch

NAND-basiertes RS-Flip-Flop als 1-Bit-RAM-Speicher

\bar{S}	\bar{R}	Q
0	1	1 (Set)

- Signal 0 am Eingang \bar{S} setzt das Flip-Flop auf $Q = 1$ (Set)



NAND

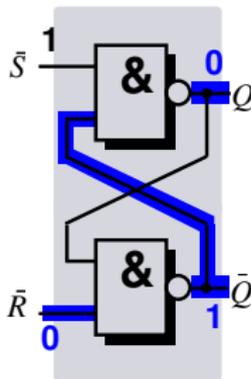
x_1	x_2	y
0	0	1
0	1	1
1	0	1
1	1	0

0 am Eingang
setzt sich durch

NAND-basiertes RS-Flip-Flop als 1-Bit-RAM-Speicher

\bar{S}	\bar{R}	Q	
0	1	1	(Set)
1	0	0	(Reset)

- Signal 0 am Eingang \bar{S} setzt das Flip-Flop auf $Q = 1$ (Set)
- Signal 0 am Eingang \bar{R} setzt das Flip-Flop auf $Q = 0$ (Reset)



NAND

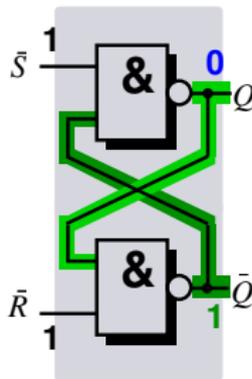
x_1	x_2	y
0	0	1
0	1	1
1	0	1
1	1	0

0 am Eingang
setzt sich durch

NAND-basiertes RS-Flip-Flop als 1-Bit-RAM-Speicher

\bar{S}	\bar{R}	Q	
0	1	1	(Set)
1	0	0	(Reset)
1	1	Q	(Hold)

- Signal 0 am Eingang \bar{S} setzt das Flip-Flop auf $Q = 1$ (Set)
- Signal 0 am Eingang \bar{R} setzt das Flip-Flop auf $Q = 0$ (Reset)
- Beide Eingänge 1: Flip-Flop speichert zuvor gesetztes Bit, bis erneutes Set oder Reset erfolgt



NAND

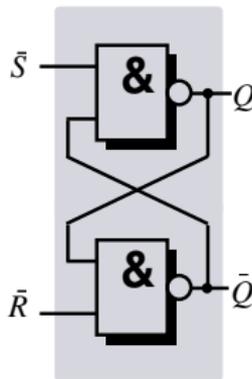
x_1	x_2	y
0	0	1
0	1	1
1	0	1
1	1	0

0 am Eingang
setzt sich durch

NAND-basiertes RS-Flip-Flop als 1-Bit-RAM-Speicher

\bar{S}	\bar{R}	Q	
0	1	1	(Set)
1	0	0	(Reset)
1	1	Q	(Hold)
0	0		verboten

- Signal 0 am Eingang \bar{S} setzt das Flip-Flop auf $Q = 1$ (Set)
- Signal 0 am Eingang \bar{R} setzt das Flip-Flop auf $Q = 0$ (Reset)
- Beide Eingänge 1: Flip-Flop speichert zuvor gesetztes Bit, bis erneutes Set oder Reset erfolgt
- Beide Eingänge 0: Bit nicht gleichzeitig auf 1 und auf 0 setzbar, daher verboten ($Q = 1$ und $\bar{Q} = 1$)

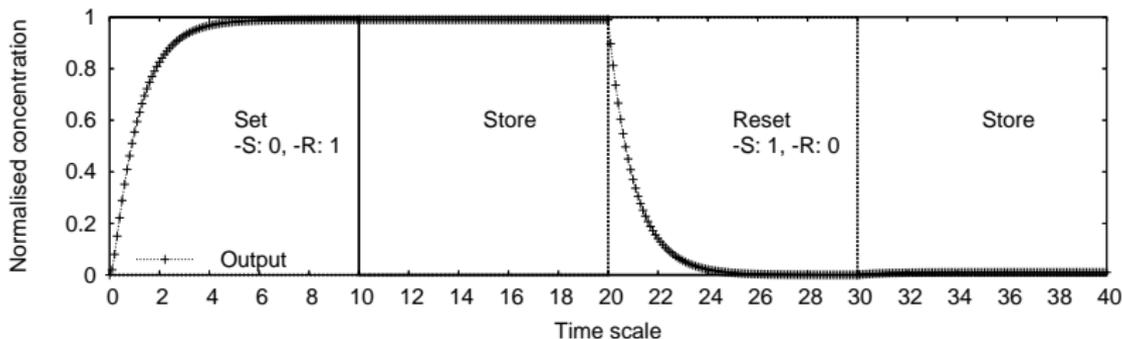


NAND

x_1	x_2	y
0	0	1
0	1	1
1	0	1
1	1	0

0 am Eingang
setzt sich durch

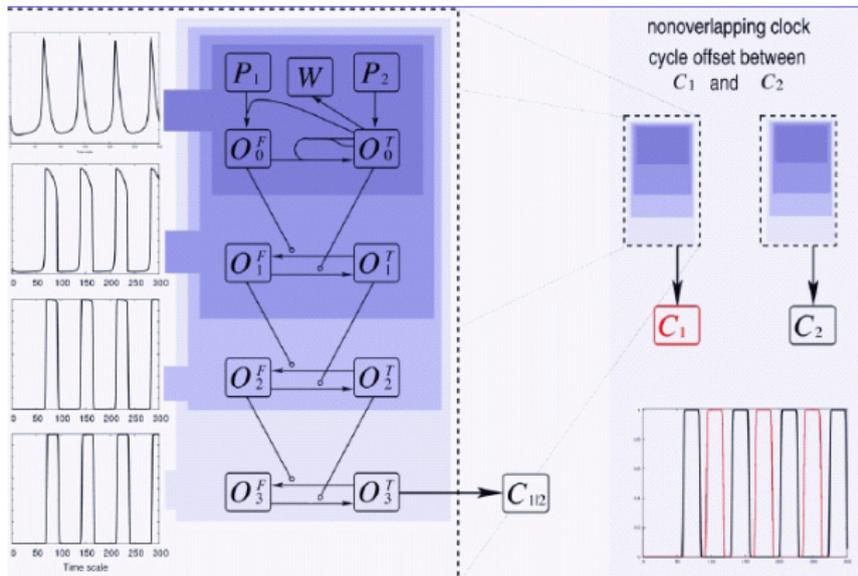
Schaltverhalten des chemischen RS-Flip-Flops



- Modellierung der enzymatischen Reaktionen mit Hill-Kinetik ($n = 2$)
- Bei $t = 0$ bis 10 Setzen, bei $t = 20$ bis 30 Rücksetzen durch *sprunghafte* Änderung der betreffenden Eingangskonzentrationen
- während des Speicherns Ausgangsspezieskonzentration gehalten
- logischer Wert 0 (**false**) *bis 10%* des maximal erreichbaren Signalwerts
- logischer Wert 1 (**true**) *mindestens 90%* des maximal erreichbaren Signalwerts
- *Latenzzeit* (worst case) in Abhängigkeit der Ratenkonstanten und Reaktionsparameter experimentell bestimmbar (hier: 7 Zeiteinheiten)

Ein chemischer Taktgenerator

- basierend auf *Brusselator* (spikeförmige Oszillation)
- Kaskade von Hilfsreaktionen als *binärer Signalseparator*
- zwei versetzte Oszillationen liefern Taktsignale C_1 und C_2

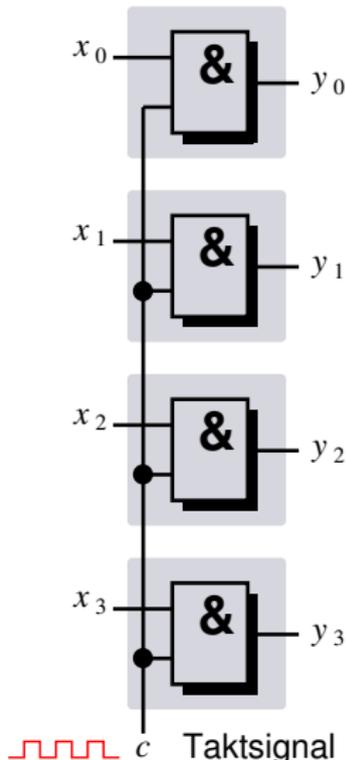


S. Hayat, T. Hinze. Toward integration of in vivo molecular computing devices: successes and challenges.

HFSP Journal 2(5):239-243, 2008

Tor aus UND-Gattern

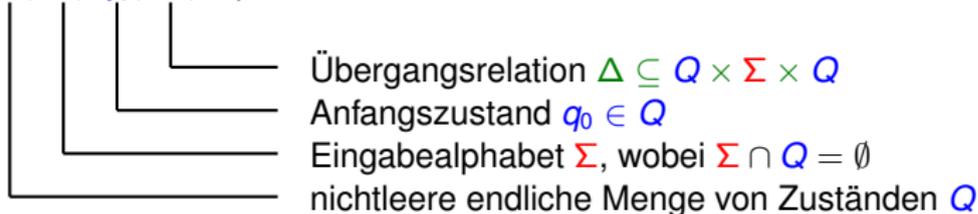
Bei Takt = 0 logische Berechnungen, bei Takt = 1 gültige Ergebniswerte freigeben



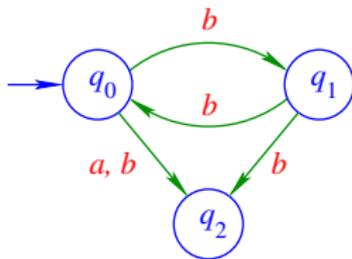
Nichtdeterministischer endlicher Automat (NEA)

zustandsbasiertes Berechnungsmodell für reguläre Sprachen

$$\mathcal{N} = (Q, \Sigma, q_0, \Delta, F)$$



Beispiel und Notation als Graph



$$Q = \{q_0, q_1, q_2\}$$

$$\Sigma = \{a, b\}$$

$$\Delta = \{(q_0, a, q_2), (q_0, b, q_1), (q_0, b, q_2), (q_1, b, q_0), (q_1, b, q_2)\}$$

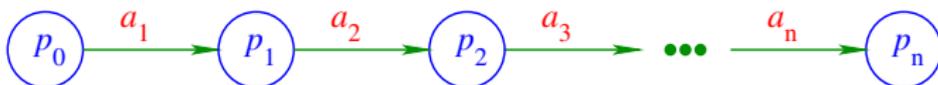
Ausführung von Berechnungen auf NEAs

Pfad

Ein *Pfad* in einem NEA \mathcal{N} ist eine Folge

$$p_0 \xrightarrow{a_1 \dots a_n} p_n = (p_0, a_1, p_1)(p_1, a_2, p_2) \dots (p_{n-1}, a_n, p_n) \text{ mit} \\ (p_i, a_{i+1}, p_{i+1}) \in \Delta \text{ für } i = 0, \dots, n-1.$$

Die Beschriftung des Pfades ist das Wort $a_1 \dots a_n$.



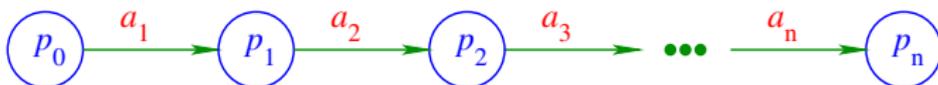
Ausführung von Berechnungen auf NEAs

Pfad

Ein *Pfad* in einem NEA \mathcal{N} ist eine Folge

$$p_0 \xrightarrow{a_1 \dots a_n} p_n = (p_0, a_1, p_1)(p_1, a_2, p_2) \dots (p_{n-1}, a_n, p_n) \text{ mit} \\ (p_i, a_{i+1}, p_{i+1}) \in \Delta \text{ für } i = 0, \dots, n-1.$$

Die Beschriftung des Pfades ist das Wort $a_1 \dots a_n$.



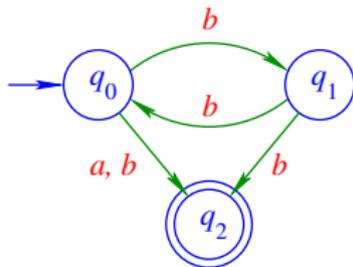
Akzeptierte Sprache

Ein NEA \mathcal{N} *akzeptiert* das Wort $w \in \Sigma^*$ gdw. es einen Pfad $q_0 \xrightarrow{w} q_F$ gibt, wobei q_0 der Startzustand ist und $q_F \in F$ ein Finalzustand.

Ausführung von Berechnungen auf NEAs

Beispiel

Gegeben: NEA \mathcal{N}

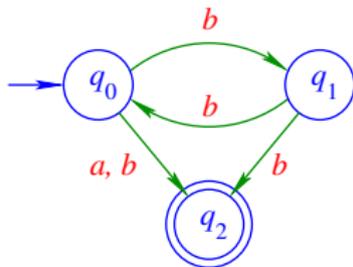


$$L(\mathcal{N}) = \{a, \dots\}$$

Ausführung von Berechnungen auf NEAs

Beispiel

Gegeben: NEA \mathcal{N}

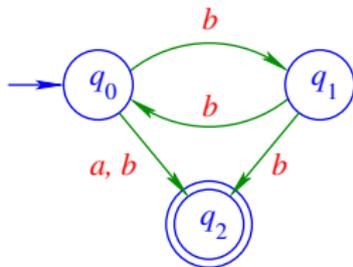


$$L(\mathcal{N}) = \{a, b, \dots\}$$

Ausführung von Berechnungen auf NEAs

Beispiel

Gegeben: NEA \mathcal{N}

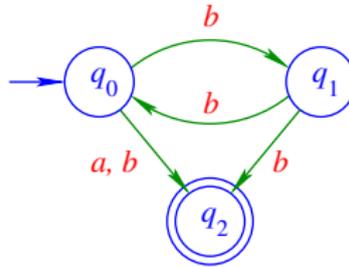


$$L(\mathcal{N}) = \{a, b, bb, bbb, \dots\}$$

Ausführung von Berechnungen auf NEAs

Beispiel

Gegeben: NEA \mathcal{N}

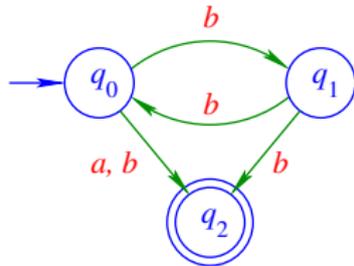


$$\begin{aligned} L(\mathcal{N}) &= \{a, b, bb, bbb, b^4, b^5, b^6, b^7, \dots, bba, b^4 a, b^6 a, \dots\} \\ &= \{a\} \cup \{\text{Wörter aus mindestens einem oder beliebig vielen } b\} \\ &\quad \cup \{\text{Wörter aus gerader Anzahl } b \text{ und Schluss-}a\} \end{aligned}$$

Ausführung von Berechnungen auf NEAs

Beispiel

Gegeben: NEA \mathcal{N}



$$\begin{aligned}
 L(\mathcal{N}) &= \{a, b, bb, bbb, b^4, b^5, b^6, b^7, \dots, bba, b^4 a, b^6 a, \dots\} \\
 &= \{a\} \cup \{\text{Wörter aus mindestens einem oder beliebig vielen } b\} \\
 &\quad \cup \{\text{Wörter aus gerader Anzahl } b \text{ und Schluss-}a\} \\
 &= (\{b\} \cdot \{b\})^* \cdot \{a\} \cup \{b\} \cdot \{b\}^*
 \end{aligned}$$

Ausführung von Berechnungen auf NEAs

- Die Gesamtheit aller Wörter, die vom Startzustand q_0 zeichenweise eingelesen in einen Finalzustand $\in F$ führen, bilden die formale Sprache $L(\mathcal{N})$, die der NEA \mathcal{N} erkennt.
- $L(\mathcal{N})$ kann (abzählbar) unendlich viele Wörter enthalten, aber auch endlich oder sogar leer sein.
- Man kann konstruktiv zeigen, dass durch NEAs alle regulären Sprachen beschrieben werden können, aber keine weiteren.

NEAs als Berechnungsmodell

Einfache algorithmische Aufgaben, z.B. **Pattern Matching mit regulären Ausdrücken**, lassen sich gut durch NEAs beschreiben.

NEAs als Berechnungsmodell

Einfache algorithmische Aufgaben, z.B. **Pattern Matching mit regulären Ausdrücken**, lassen sich gut durch NEAs beschreiben.

Vorteile von NEAs

- bieten eine kompakte, gut verständliche Darstellung
- kommen oft mit **wenigen Zuständen** aus

NEAs als Berechnungsmodell

Einfache algorithmische Aufgaben, z.B. **Pattern Matching mit regulären Ausdrücken**, lassen sich gut durch NEAs beschreiben.

Vorteile von NEAs

- bieten eine kompakte, gut verständliche Darstellung
- kommen oft mit **wenigen Zuständen** aus

Nachteile von NEAs

- Nichtdeterminismus (gleichzeitiger Übergang in *mehrere* Zustände) erschwert technische Implementierung
- Verfolgung aller Berechnungspfade mitunter aufwendig
- Berechnung endet abrupt, wenn es mit der gelesenen Eingabe am aktuellen Zustand keinen Folgezustand gibt

Deterministischer endlicher Automat (DEA)

Ein NEA $\mathcal{N} = (Q, \Sigma, q_0, \Delta, F)$ heißt *deterministisch* (DEA), wenn es für alle $q \in Q$ und für alle $a \in \Sigma$ stets **genau einen** Folgezustand $q' \in Q$ gibt mit $(q, a, q') \in \Delta$.

Deterministischer endlicher Automat (DEA)

Ein NEA $\mathcal{N} = (Q, \Sigma, q_0, \Delta, F)$ heißt *deterministisch (DEA)*, wenn es für alle $q \in Q$ und für alle $a \in \Sigma$ stets **genau einen** Folgezustand $q' \in Q$ gibt mit $(q, a, q') \in \Delta$.

Anstelle der Übergangsrelation Δ verwenden wir dann die *Übergangsfunktion* $\delta : Q \times \Sigma \rightarrow Q$ mit $\delta(q, a) = q'$ gdw. $(q, a, q') \in \Delta$. DEAs werden in der Form $(Q, \Sigma, q_0, \delta, F)$ geschrieben.

Deterministischer endlicher Automat (DEA)

Ein NEA $\mathcal{N} = (Q, \Sigma, q_0, \Delta, F)$ heißt *deterministisch* (DEA), wenn es für alle $q \in Q$ und für alle $a \in \Sigma$ stets **genau einen** Folgezustand $q' \in Q$ gibt mit $(q, a, q') \in \Delta$.

Anstelle der Übergangsrelation Δ verwenden wir dann die *Übergangsfunktion* $\delta : Q \times \Sigma \rightarrow Q$ mit $\delta(q, a) = q'$ gdw. $(q, a, q') \in \Delta$. DEAs werden in der Form $(Q, \Sigma, q_0, \delta, F)$ geschrieben.

Beachte

- Aus dem aktuellen Zustand q und dem gelesenen Zeichen a ist der Folgezustand q' eindeutig bestimmt, es kann keine gleichzeitigen Übergänge zu mehreren Folgezuständen geben.

Deterministischer endlicher Automat (DEA)

Ein NEA $\mathcal{N} = (Q, \Sigma, q_0, \Delta, F)$ heißt *deterministisch* (DEA), wenn es für alle $q \in Q$ und für alle $a \in \Sigma$ stets **genau einen** Folgezustand $q' \in Q$ gibt mit $(q, a, q') \in \Delta$.

Anstelle der Übergangsrelation Δ verwenden wir dann die *Übergangsfunktion* $\delta : Q \times \Sigma \rightarrow Q$ mit $\delta(q, a) = q'$ gdw. $(q, a, q') \in \Delta$. DEAs werden in der Form $(Q, \Sigma, q_0, \delta, F)$ geschrieben.

Beachte

- Aus dem aktuellen Zustand q und dem gelesenen Zeichen a ist der Folgezustand q' eindeutig bestimmt, es kann keine gleichzeitigen Übergänge zu mehreren Folgezuständen geben.
- Wir fordern, dass die Übergangsfunktion δ eine *totale Funktion* ist, also für *jedes* Paar $(q, a) \in Q \times \Sigma$ einen Folgezustand liefert. Man kann dies immer durch Hinzunahme eines „Papierkorbzustands“, der kein Finalzustand ist, erreichen.

Deterministischer endlicher Automat (DEA)

Ein NEA $\mathcal{N} = (Q, \Sigma, q_0, \Delta, F)$ heißt *deterministisch* (DEA), wenn es für alle $q \in Q$ und für alle $a \in \Sigma$ stets **genau einen** Folgezustand $q' \in Q$ gibt mit $(q, a, q') \in \Delta$.

Anstelle der Übergangsrelation Δ verwenden wir dann die *Übergangsfunktion* $\delta : Q \times \Sigma \rightarrow Q$ mit $\delta(q, a) = q'$ gdw. $(q, a, q') \in \Delta$. DEAs werden in der Form $(Q, \Sigma, q_0, \delta, F)$ geschrieben.

Beachte

- Aus dem aktuellen Zustand q und dem gelesenen Zeichen a ist der Folgezustand q' eindeutig bestimmt, es kann keine gleichzeitigen Übergänge zu mehreren Folgezuständen geben.
- Wir fordern, dass die Übergangsfunktion δ eine *totale Funktion* ist, also für *jedes* Paar $(q, a) \in Q \times \Sigma$ einen Folgezustand liefert. Man kann dies immer durch Hinzunahme eines „Papierkorbzustands“, der kein Finalzustand ist, erreichen.

⇒ Jeder NEA über Potenzmengenkonstruktion in DEA überführbar

Chemische
Digitalcomputermodelle
nach dem Vorbild der
Zellsignalverarbeitung
implementieren
deterministische endliche
Automaten (DEAs).

Kodierung der Alphabetsymbole

Jeder DEA $(Q, \Sigma, q_0, \delta, F)$ besitzt endliche Menge Σ an *Alphabetsymbolen*, von denen in jedem Berechnungsschritt eines als Eingabe eingelesen wird. Sei $\Sigma = \{a_1, a_2, \dots, a_m\}$.

Elegante Kodierung

Verwende ein *Signalprotein* X , das mindestens soviele Aktivierungszustände besitzt wie Anzahl Symbole in Σ und ordne zu $X^{a_1}, X^{a_2}, \dots, X^{a_m}$

Kodierung der Alphabetsymbole

Jeder DEA $(Q, \Sigma, q_0, \delta, F)$ besitzt endliche Menge Σ an *Alphabetsymbolen*, von denen in jedem Berechnungsschritt eines als Eingabe eingelesen wird. Sei $\Sigma = \{a_1, a_2, \dots, a_m\}$.

Elegante Kodierung

Verwende ein *Signalprotein* X , das mindestens soviele Aktivierungszustände besitzt wie Anzahl Symbole in Σ und ordne zu $X^{a_1}, X^{a_2}, \dots, X^{a_m}$

Binäre Kodierung

Ordne jedem *Alphabetsymbol* eineindeutig eine *Bitkette* der Länge $\lceil \log_2(|\Sigma|) \rceil$ zu und ersetze jeden *Zustandsübergang* $q_i \xrightarrow{a_k} q_j$ durch den Pfad $q_i \xrightarrow{b_1} q_{i,2} \xrightarrow{b_2} q_{i,3} \xrightarrow{b_3} \dots \xrightarrow{b_h} q_j$, wobei die Bitkette $b_1 b_2 \dots b_h$ das Symbol a_k repräsentiert. Dabei werden zusätzliche Hilfszustände $q_{i,2}, q_{i,3}, \dots$ eingeführt. Damit ist $\Sigma = \{0, 1\}$

Kodierung der Zustände

Jeder DEA $(Q, \Sigma, q_0, \delta, F)$ besitzt endliche Menge Q an *Zuständen*.
In jedem Berechnungsschritt erfolgt ein Zustandsübergang. Sei
 $Q = \{q_1, q_2, \dots, q_n\}$.

Elegante Kodierung

Verwende ein *Signalprotein* Z , das mindestens soviele
Aktivierungszustände besitzt wie die Anzahl Zustände in Q und ordne
zu $Z^{q_1}, Z^{q_2}, \dots, Z^{q_n}$

Kodierung der Zustände

Jeder DEA $(Q, \Sigma, q_0, \delta, F)$ besitzt endliche Menge Q an *Zuständen*. In jedem Berechnungsschritt erfolgt ein Zustandsübergang. Sei $Q = \{q_1, q_2, \dots, q_n\}$.

Elegante Kodierung

Verwende ein *Signalprotein* Z , das mindestens soviele Aktivierungszustände besitzt wie die Anzahl Zustände in Q und ordne zu $Z^{q_1}, Z^{q_2}, \dots, Z^{q_n}$

Kodierung als Bitkette

Ordne jedem *Zustand* eineindeutig eine *Bitkette* der Länge $\lceil \log_2(|Q|) \rceil$ zu und ersetze die Einträge in der *Zustandsübergangsfunktion* entsprechend. Sei $b_1 b_2 \dots b_h$ die Bitkette für Zustand q_i und $c_1 c_2 \dots c_h$ die Bitkette für Zustand q_j , so wird aus dem Zustandsübergang $q_i \xrightarrow{a_k} q_j$ die Form $b_1 b_2 \dots b_h \xrightarrow{a_k} c_1 c_2 \dots c_h$.

Abbildung DEA in Zellsignal-Reaktionsnetzwerk

unter Verwendung der eleganten Kodierungen für Zustände und Alphabetsymbole

- Aus einem DEA $(Q, \Sigma, q_0, \delta, F)$, dessen Zustände $q_1, \dots, q_n \in Q$ durch Aktivierungszustände Z^{q_1}, \dots, Z^{q_n} des Signalproteins Z
- und dessen Alphabetsymbole $a_1, \dots, a_m \in \Sigma$ durch Aktivierungszustände X^{a_1}, \dots, X^{a_m} des Signalproteins X kodiert sind,
- wird unter Zuhilfenahme eines *Taktsignals* $[C]$ ein Reaktionsgleichungssystem,

Abbildung DEA in Zellsignal-Reaktionsnetzwerk

unter Verwendung der eleganten Kodierungen für Zustände und Alphabetsymbole

- Aus einem DEA $(Q, \Sigma, q_0, \delta, F)$, dessen Zustände $q_1, \dots, q_n \in Q$ durch Aktivierungszustände Z^{q_1}, \dots, Z^{q_n} des Signalproteins Z
- und dessen Alphabetsymbole $a_1, \dots, a_m \in \Sigma$ durch Aktivierungszustände X^{a_1}, \dots, X^{a_m} des Signalproteins X kodiert sind,
- wird unter Zuhilfenahme eines *Taktsignals* $[C]$ ein Reaktionsgleichungssystem,

indem jeder Eintrag

$$(q_i, a_k, q_j) \quad \text{bzw.} \quad q_i \xrightarrow{a_k} q_j$$

der Zustandsübergangsfunktion $\delta : Q \times \Sigma \rightarrow Q$ überführt wird in die zugehörige Reaktionsgleichung



Abbildung DEA in Zellsignal-Reaktionsnetzwerk

unter Verwendung der eleganten Kodierungen für Zustände und Alphabetsymbole

- Aus einem DEA $(Q, \Sigma, q_0, \delta, F)$, dessen Zustände $q_1, \dots, q_n \in Q$ durch Aktivierungszustände Z^{q_1}, \dots, Z^{q_n} des Signalproteins Z
- und dessen Alphabetsymbole $a_1, \dots, a_m \in \Sigma$ durch Aktivierungszustände X^{a_1}, \dots, X^{a_m} des Signalproteins X kodiert sind,
- wird unter Zuhilfenahme eines *Taktsignals* $[C]$ ein Reaktionsgleichungssystem,

indem jeder Eintrag



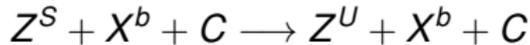
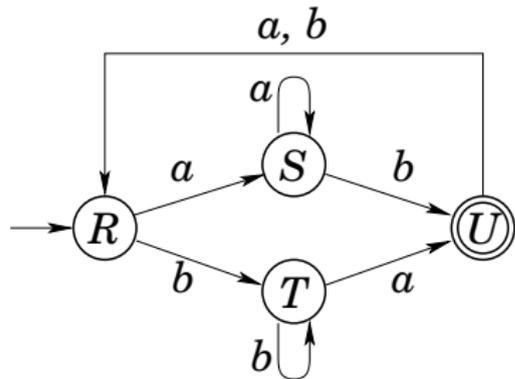
der Zustandsübergangsfunktion $\delta : Q \times \Sigma \rightarrow Q$ überführt wird in die zugehörige Reaktionsgleichung



Die Eingabekonzentrationsverläufe $[X^{a_1}]$ bis $[X^{a_m}]$ sind auf den Verlauf des Taktsignals $[C]$ abgestimmt und ändern sich sprunghaft, während $[C] \approx 0$.

Beispiel zur chemischen Modellierung eines DEA

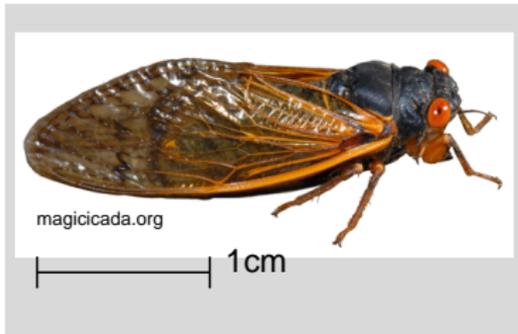
Zustände durch Protein Z mit 4, Symbole durch Protein X mit 2 Aktivierungszuständen



Anfangskonzentrationen: $[Z^R] = 1, [Z^S] = [Z^T] = [Z^U] = 0$

Laufbedingungen: $[X^a] + [X^b] = 1$ und $[Z^R] + [Z^S] + [Z^T] + [Z^U] = 1$

Zikaden-inspirierter chemischer Frequenzteiler 1:17



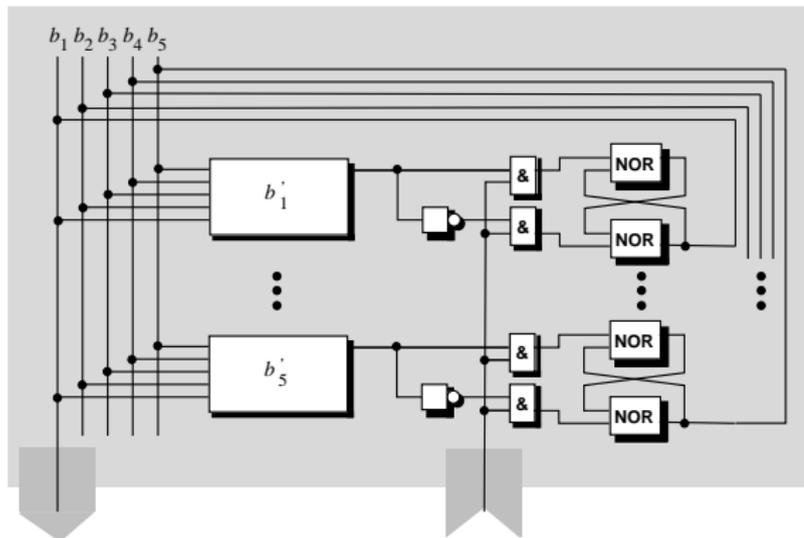
deterministischer endlicher Automat als 5-Bit-Binärzähler modulo 17

Binärrepräsentation der Zustandsübergänge

5-Bit-Gray-Code ändert pro Zustandsübergang lediglich 1 Bit (bis auf letzten)

Zählwert	b_1	b_2	b_3	b_4	b_5	b'_1	b'_2	b'_3	b'_4	b'_5
1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
2	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1
3	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0
4	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0
5	0	0	1	1	0	0	0	1	1	1
6	0	0	1	1	1	0	0	1	0	1
7	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0
8	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0
9	0	1	1	0	0	0	1	1	0	1
10	0	1	1	0	1	0	1	1	1	1
11	0	1	1	1	1	0	1	1	1	0
12	0	1	1	1	0	0	1	0	1	0
13	0	1	0	1	0	0	1	0	1	1
14	0	1	0	1	1	0	1	0	0	1
15	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0
16	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0
17	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0

Binärzähler mod 17 – Funktionen Zustandsübergänge



$$b'_1 = \bar{b}_1 b_2 \bar{b}_3 \bar{b}_4 \bar{b}_5$$

$$b'_2 = \bar{b}_1 b_2 \vee \bar{b}_1 b_2 \bar{b}_3 \bar{b}_4 \bar{b}_5$$

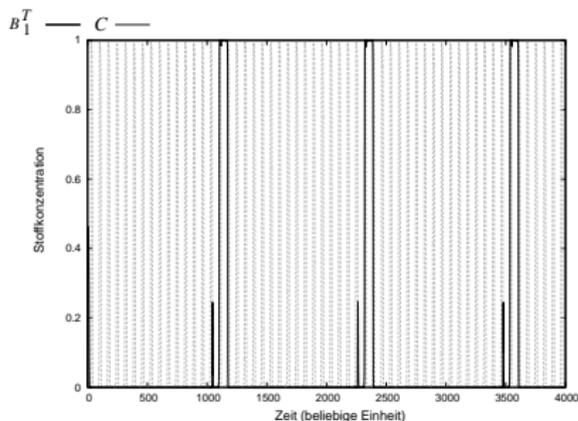
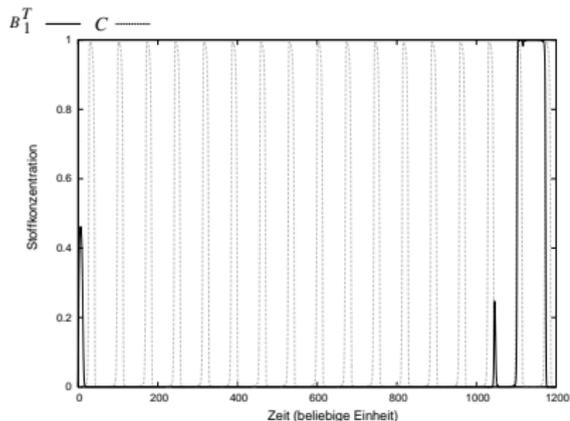
$$b'_3 = \bar{b}_1 \bar{b}_2 b_3 \vee \bar{b}_1 b_3 \bar{b}_4 \vee \bar{b}_1 b_2 b_3 b_5 \vee \bar{b}_1 \bar{b}_2 b_4 \bar{b}_5$$

$$b'_4 = \bar{b}_1 b_4 \bar{b}_5 \vee \bar{b}_1 b_2 b_3 b_5 \vee \bar{b}_1 \bar{b}_2 \bar{b}_3 b_5 \vee \bar{b}_1 \bar{b}_2 \bar{b}_3 b_4 \vee \bar{b}_1 b_2 b_3 b_4$$

$$b'_5 = \bar{b}_1 \bar{b}_2 \bar{b}_3 \bar{b}_4 \vee \bar{b}_1 \bar{b}_2 b_3 b_4 \vee \bar{b}_1 b_2 b_3 \bar{b}_4 \vee \bar{b}_1 b_2 \bar{b}_3 b_4$$

- **5-Bit-Gray-Code** zur binären Kodierung der Zustände
- 1-Impuls des Taktsignals [C] erhöht den Zähler um 1 (Eingabe)
- jeweils nach 17 Zählimpulsen wieder Beginn von vorn

Verhalten des chemischen 1:17-Frequenzteilers



- **Ausgabesignal:** Konzentrationsverlauf von B_1^T korrespondierend zum Zustandsbit b_1 , numerisch simuliert mit COPASI
- **Komponenten:** Taktgenerator (Brusselator und binärer Signalseparator), 76 Logikgatter mit je zwei Eingängen, 5 NOR-basierte RS-Flip-Flops
- **insgesamt 145 chemische Spezies und 416 Einzelreaktionen**

T. Hinze, B. Schell, M. Schumann, C. Bodenstern. Maintenance of Chronobiological Information by P System Mediated Assembly of Control Units for Oscillatory Waveforms and Frequency.
Lecture Notes in Computer Science **7762**:208-227, 2013

Rucksackproblem

NP-vollständiges Problem

Definition

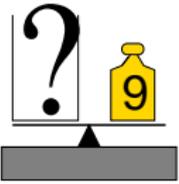
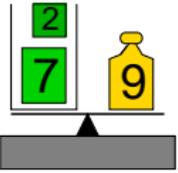
gegeben: n natürliche Zahlen a_1, \dots, a_n sowie eine nat. Zahl b
gesucht: Gibt es eine Teilmenge $I \subseteq \{1, \dots, n\}$ mit $\sum_{i \in I} a_i = b$?

Veranschaulichung

a_1 bis a_n : Gewichte der Gegenstände 1 bis n .

Gibt es eine Packmöglichkeit mit einer Auswahl aus diesen Gegenständen, so dass das Referenzgewicht b entsteht?

Beispiel

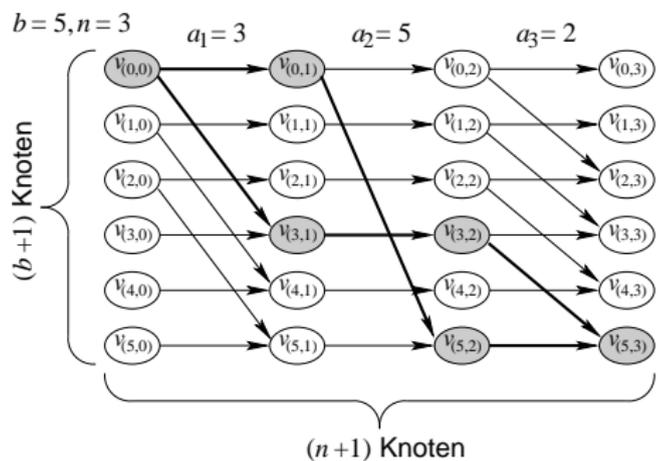
$a_1 = 5$	5	Gegenstand 1			Lösung: ja
$a_2 = 7$	7	Gegenstand 2			
$a_3 = 2$	2	Gegenstand 3			
$b = 9$					

Lösungsidee: Darstellung als Graph für DEA

$\mathcal{G} = (V, E)$ mit $E \subset V \times V$ endlicher gerichteter Graph

$V = \{v_{(i,k)} \mid \forall i = 0, \dots, b \ \forall k = 0, \dots, n\}$

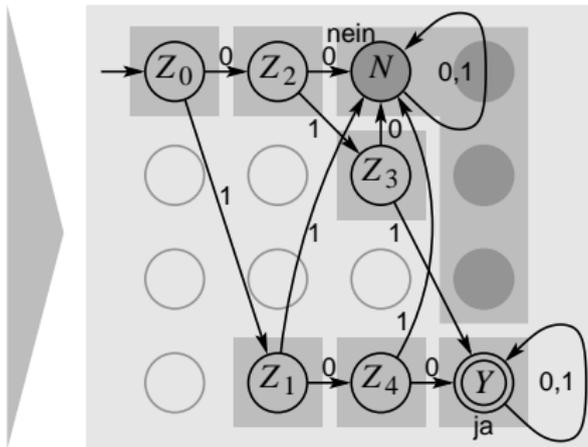
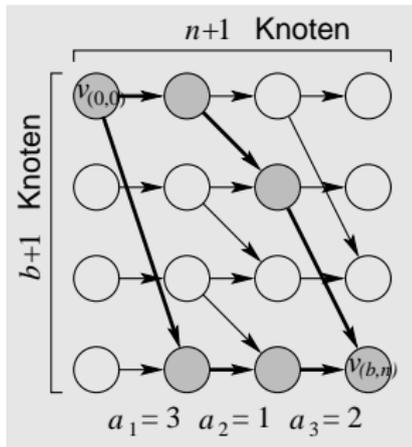
$E = \{(v_{(i,k)}, v_{(i,k+1)}) \mid \forall i = 0, \dots, b \ \forall k = 0, \dots, n-1\} \cup$
 $\{(v_{(i,k)}, v_{(i+a_i, k+1)}) \mid \forall i = 0, \dots, b \cdot (i + a_i \leq b) \ \forall k = 0, \dots, n-1\}$



Gibt es in \mathcal{G} einen Pfad von $v_{(0,0)}$ nach $v_{(b,n)}$? Falls ja, besitzt das korrespondierende Rucksackproblem die Lösung „ja“, anderenfalls „nein“.

Darstellung Probleminstanz als endlicher Automat

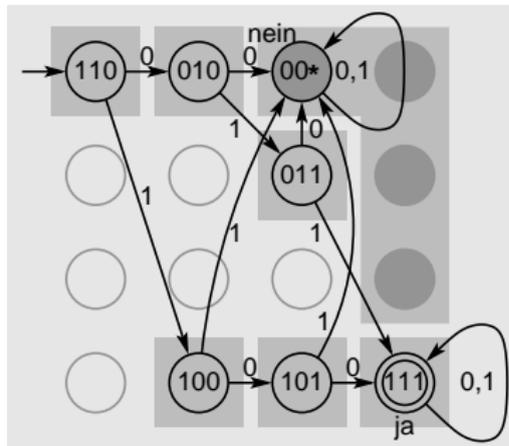
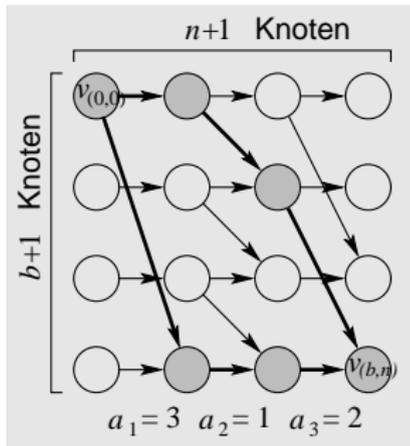
Beispielinstanz: $n = 3, a_1 = 3, a_2 = 1, a_3 = 2, b = 3$



- Jede Probleminstanz führt zu einem eigenen DEA
- unerreichbare Zustände eliminiert
- alle Zustände, die die Lösung „nein“ verkörpern, zusammengefasst
- Alle bitweise eingelesenen Bitketten der Länge $n = 3$, die in den Finalzustand münden, bilden die akzeptierte Sprache und stehen für die gesuchten Rucksackbelegungen (Lösung „ja“)

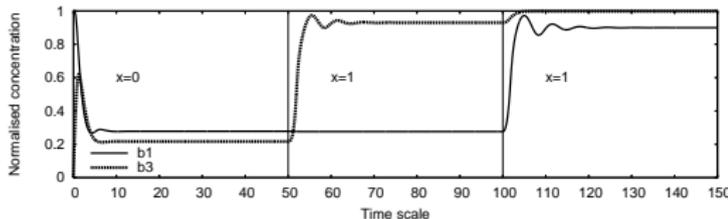
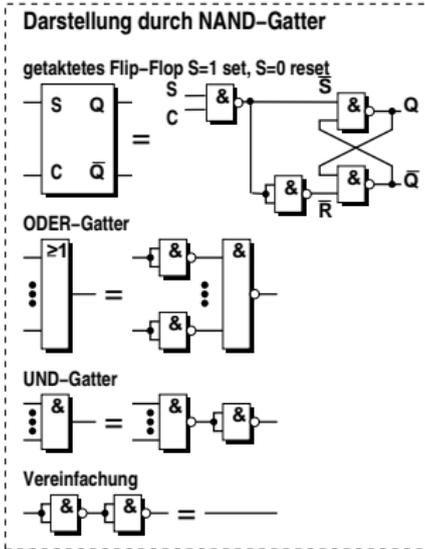
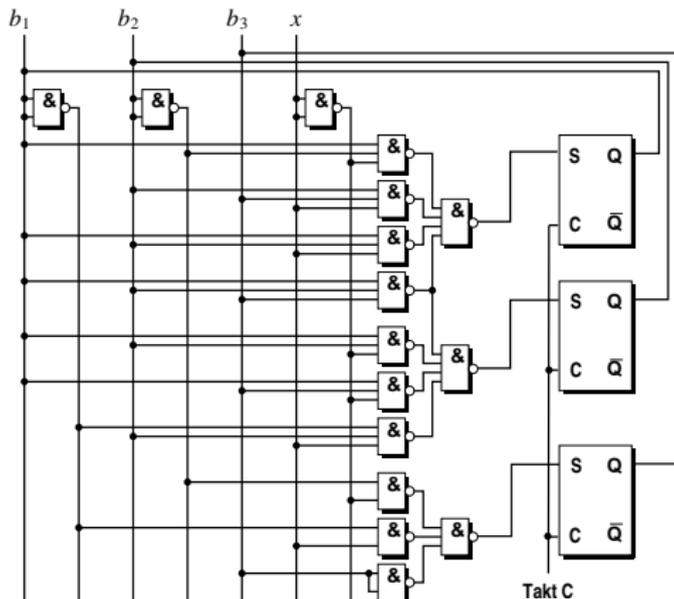
Binärkodierung der Zustände des DEA

Beispielinstanz: $n = 3, a_1 = 3, a_2 = 1, a_3 = 2, b = 3$



- Bei 7 Zuständen sind 3 Bit pro Zustand notwendig
- Jeder Zustandsübergang sollte möglichst wenige Bits der zustandskodierenden Bitketten ändern, idealerweise nur eines.
- dadurch Schaltlogik effizient, da wenig Gatter benötigt und geringe Anzahl hintereinandergeschalteter Gatter
- 3-Bit-Gray-Code herangezogen und Bitketten bestmöglich verteilt

Gatterschaltung und chemische Simulation



b_1	b_2	b_3	x	b'_1	b'_2	b'_3
1	1	0	0	0	1	0
0	1	0	1	0	1	1
0	1	1	1	1	1	1

Finalzustand erreicht

Chemische NEAs

- Die getaktet arbeitenden chemischen Modelle deterministischer endlicher Automaten (DEAs) folgen eng dem Vorbild sequentieller elektronischer Implementierungen, aber mittels Signalproteinen mit mehreren Aktivierungszuständen.

Chemische NEAs

- Die getaktet arbeitenden chemischen Modelle deterministischer endlicher Automaten (DEAs) folgen eng dem Vorbild sequentieller elektronischer Implementierungen, aber mittels Signalproteinen mit mehreren Aktivierungszuständen.
- Durch die Simulation lässt sich leicht nachvollziehen, *welche* Folge von Eingabesymbolen zu einem Finalzustand führt. Praktisch heißt das, dass damit eine konkrete Problemlösung sichtbar wird.

Chemische NEAs

- Die getaktet arbeitenden chemischen Modelle deterministischer endlicher Automaten (DEAs) folgen eng dem Vorbild sequentieller elektronischer Implementierungen, aber mittels Signalproteinen mit mehreren Aktivierungszuständen.
- Durch die Simulation lässt sich leicht nachvollziehen, *welche* Folge von Eingabesymbolen zu einem Finalzustand führt. Praktisch heißt das, dass damit eine konkrete Problemlösung sichtbar wird.
- Reicht es aus zu wissen, *ob* der Finalzustand durch irgendeine zulässige Eingabesymbolfolge erreicht werden kann, so lässt sich das chemische Modell vereinfachen und auch auf NEAs anwenden. Jeder Zustandsübergang $q_i \xrightarrow{a_k} q_j$ wird dann einfach als Reaktion $q_i + a_k \longrightarrow q_j$ geschrieben und die Anfangskonzentrationen *aller* symbolkodierenden Spezies auf Werte > 0 gesetzt. Ein Takt ist nicht mehr notwendig.

Registermaschine (RAM)

Ein befehlsorientiertes Berechnungsmodell, Turing-vollständig

- Definition der Komponenten

$$RAM = (R, L, P, I_1)$$



Registermaschine (RAM)

Ein befehlsorientiertes Berechnungsmodell, Turing-vollständig

- Definition der Komponenten

$$RAM = (R, L, P, l_1)$$



- verfügbare Befehle

- l_j : INC R_k l_j Register R_k inkrementieren, gehe zu l_j
- l_j : DEC R_k l_j Register R_k dekrementieren, gehe zu l_j
- l_j : IFZ R_k l_j l_p Falls $R_k = 0$ gehe zu l_j sonst zu l_p
- l_j : HALT Programmende

Registermaschine (RAM)

Ein befehlsorientiertes Berechnungsmodell, Turing-vollständig

- Definition der Komponenten

$$RAM = (R, L, P, I_1)$$



- verfügbare Befehle

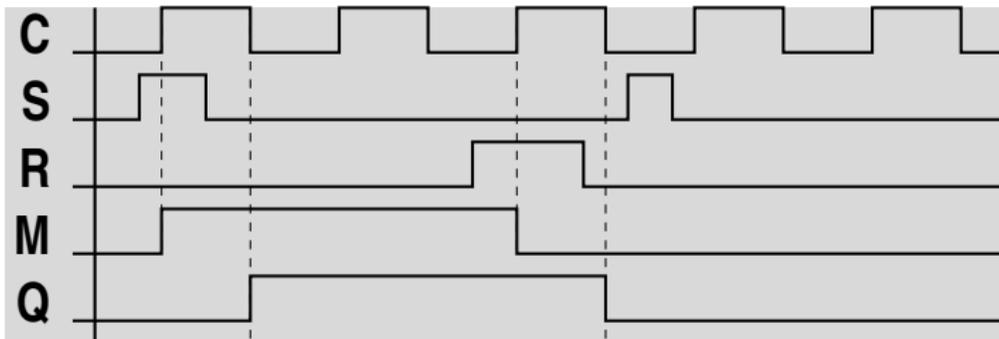
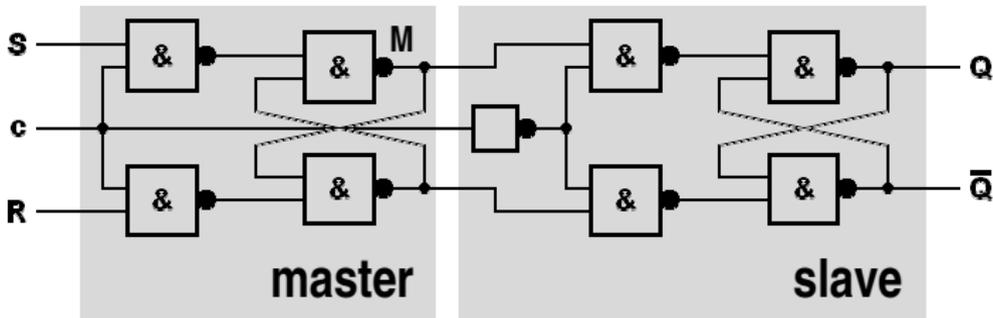
- l_j : INC R_k l_j Register R_k inkrementieren, gehe zu l_j
- l_j : DEC R_k l_j Register R_k dekrementieren, gehe zu l_j
- l_j : IFZ R_k l_j l_p Falls $R_k = 0$ gehe zu l_j sonst zu l_p
- l_j : HALT Programmende

- Festlegungen

- jedes Register speichert eine natürliche Zahl
- bei Start alle Register mit Eingabewerten initialisiert
- dediziertes Ausgaberegister festgelegt
- deterministische Arbeitsweise

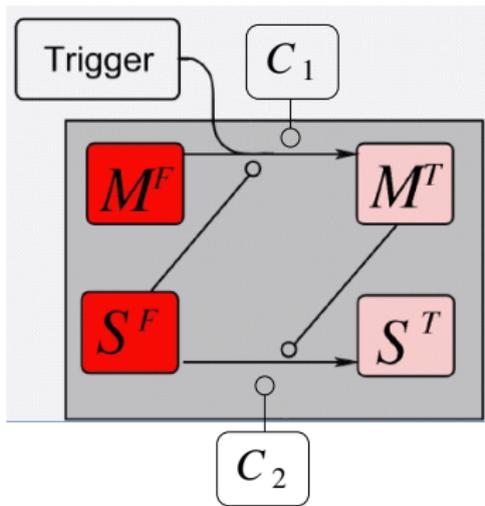
Master-Slave Flip-Flop (MSFF)

zuverlässiger 1-bit-Speicher, gut untersucht



Chemische MSFF Implementierung

zweistufiges Schalten von **FALSE** auf **TRUE** mittels
Trigger-Spezien und versetzten Taktsignalen C_1 und C_2

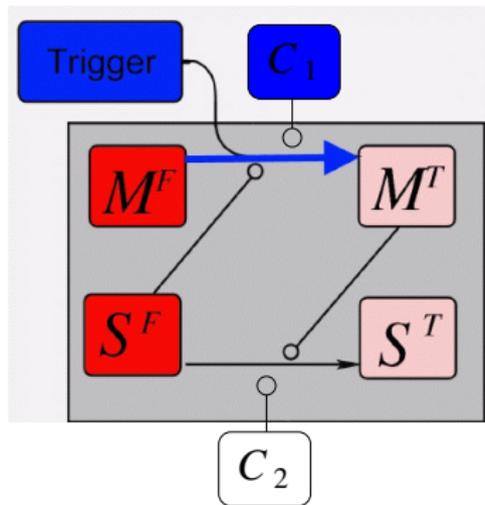


Spezies M^F , M^T : Bitwert im Master-Teil

Spezies S^F , S^T : Bitwert im Slave-Teil

Chemische MSFF Implementierung

zweistufiges Schalten von **FALSE** auf **TRUE** mittels
Trigger-Spezien und versetzten Taktsignalen C_1 und C_2

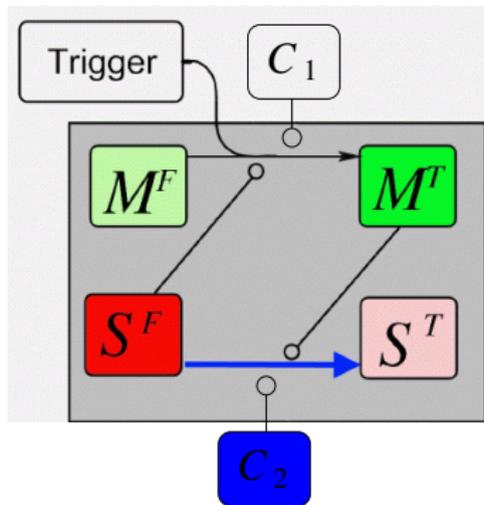


Spezies M^F , M^T : Bitwert im Master-Teil

Spezies S^F , S^T : Bitwert im Slave-Teil

Chemische MSFF Implementierung

zweistufiges Schalten von **FALSE** auf **TRUE** mittels
Trigger-Spezien und versetzten Taktsignalen C_1 und C_2

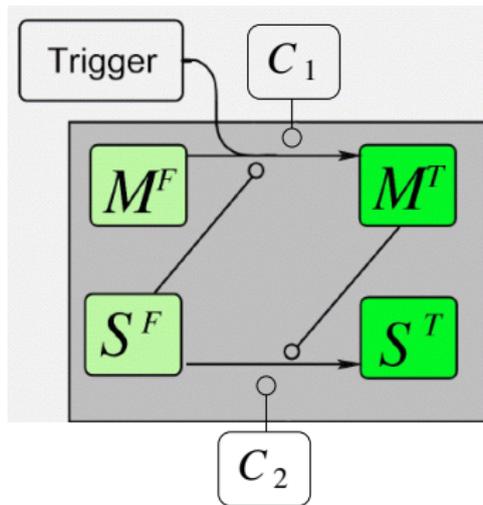


Spezies M^F , M^T : Bitwert im Master-Teil

Spezies S^F , S^T : Bitwert im Slave-Teil

Chemische MSFF Implementierung

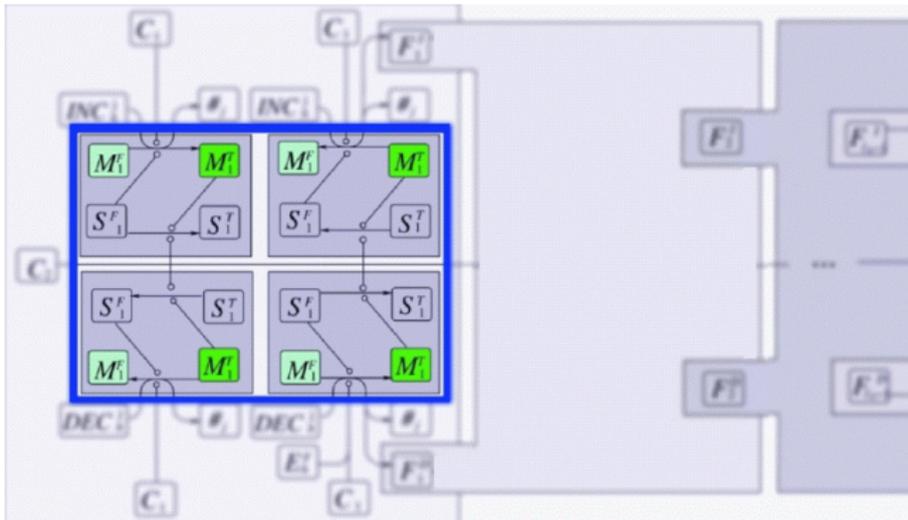
zweistufiges Schalten von **FALSE** auf **TRUE** mittels
Trigger-Spezien und versetzten Taktsignalen C_1 und C_2



Spezies M^F , M^T : Bitwert im Master-Teil
Spezies S^F , S^T : Bitwert im Slave-Teil

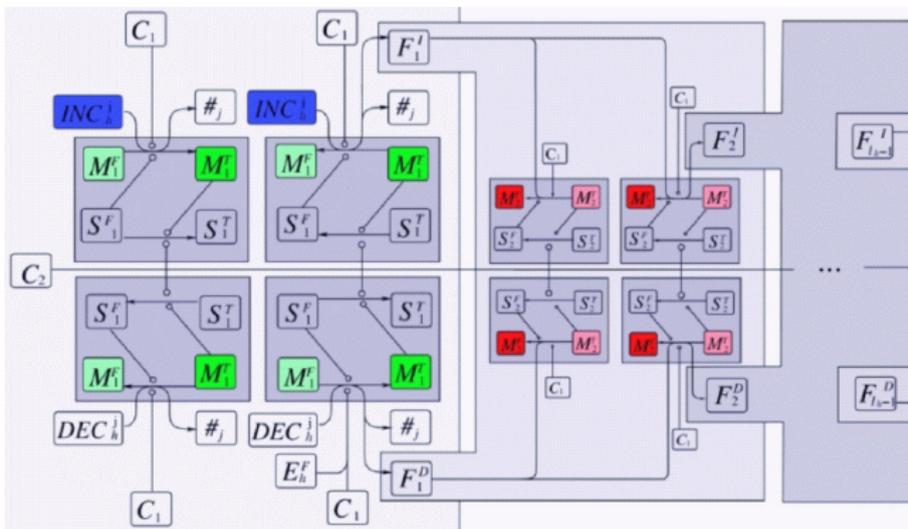
Vom MSFF zum Register

- vier Netzwerkmodule (alle Schaltszenarien) bilden MSFF
- Verkettung von MSFFs zu Registern beliebiger Bitlänge
- Annahme für Universalität: MSFF als selbstreplizierbare modulare Einheit



Vom MSFF zum Register

- vier Netzwerkmodule (alle Schaltszenarien) bilden MSFF
- Verkettung von MSFFs zu Registern beliebiger Bitlänge
- Annahme für Universalität: MSFF als selbstreplizierbare modulare Einheit



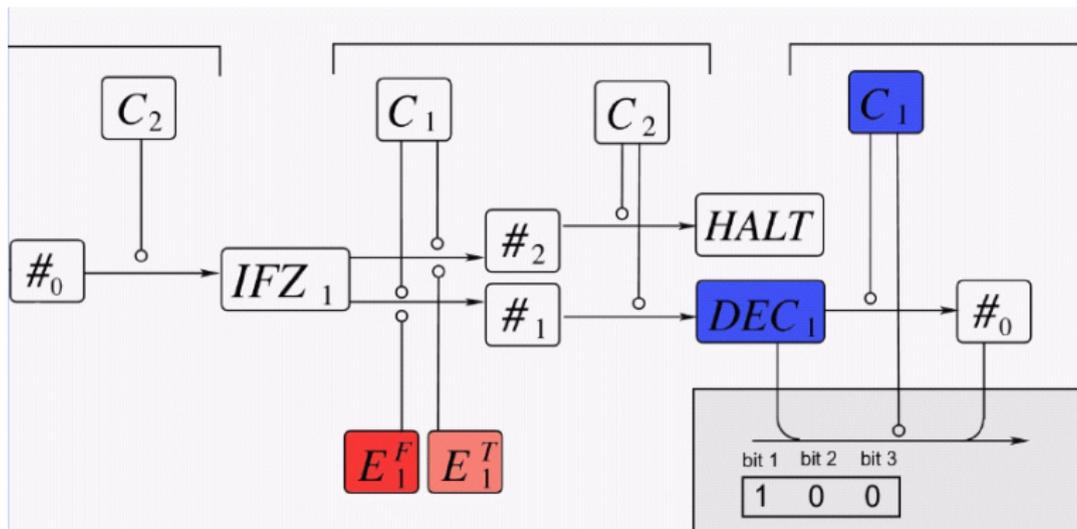
Chemische Programmsteuerung

einfaches Beispiel für sequentiellen Befehlsfluss:

#₀ : IFZ R₁ #₂ #₁

#₁ : DEC R₁ #₀

#₂ : HALT



T. Hinze, R. Fassler, T. Lenser, P. Dittrich. Register Machine Computations on Binary Numbers by Oscillating and Catalytic Chemical Reactions Modelled using Mass-Action Kinetics.

International Journal of Foundations of Computer Science **20(3)**:411-426, 2009

Chemische Programmsteuerung

Transformationschema

Befehl	Chemische Reaktionen
$\#_i : \text{INC } R_h \#_j$	$\#_i + C_2 \xrightarrow{k_p} \text{INC}_h^j + C_2$ $\text{INC}_h^j + C_1 \xrightarrow{k_b} \#_j + C_1$
$\#_i : \text{DEC } R_h \#_j$	$\#_i + C_2 \xrightarrow{k_p} \text{DEC}_h^j + C_2$ $\text{DEC}_h^j + C_1 \xrightarrow{k_b} \#_j + C_1$
$\#_i : \text{IFZ } R_h \#_j \#_q$	$\#_i + C_2 \xrightarrow{k_p} \text{IFZ}_h^{j,q} + C_2$ $\text{IFZ}_h^{j,q} + E_h^T + C_1 \xrightarrow{k_s} \#_j + E_h^T + C_1$ $\text{IFZ}_h^{j,q} + E_h^F + C_1 \xrightarrow{k_s} \#_q + E_h^F + C_1$
$\#_i : \text{HALT}$	$\#_i + C_2 \xrightarrow{k_p} \text{HALT} + C_2$

C_1, C_2 : Spezies, die Taktsignale bereitstellen

T. Hinze, R. Fassler, T. Lenser, P. Dittrich. Register Machine Computations on Binary Numbers by Oscillating and Catalytic Chemical Reactions Modelled using Mass-Action Kinetics.

International Journal of Foundations of Computer Science **20(3)**:411-426, 2009

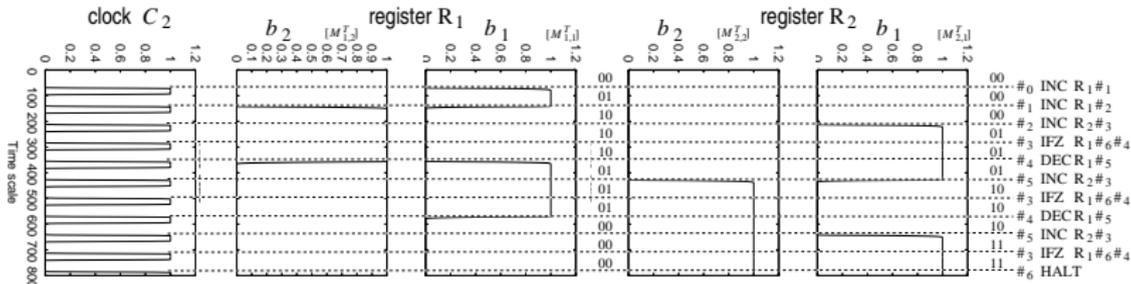
Beispiel: Addition von Binärzahlen „2 + 1“

- Initialisierung der Register R_1 und R_2 mit Summanden
- $R_2 := R_2 + R_1; R_1 := 0$
- R_2 schrittweise erhöht, bis R_1 auf 0 abgebaut ist

$M = (\{R_1, R_2\}, \{\#0, \dots, \#6\}, P, \#0)$ mit folgendem Programm P :

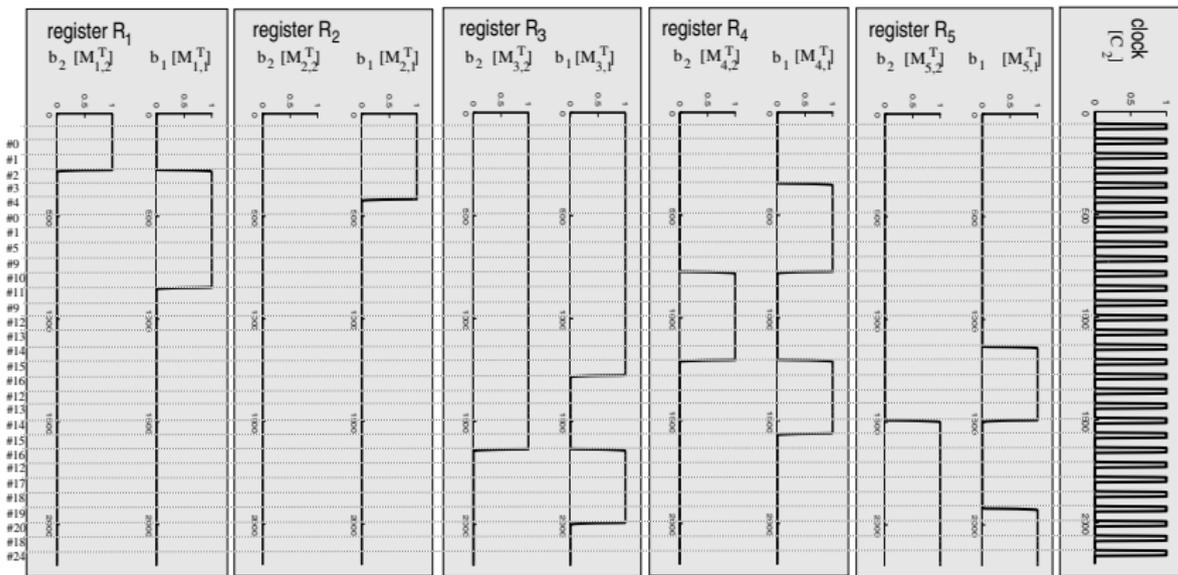
```

#0 : INC R1 #1 ..... Initialisiere R1 := 2
#1 : INC R1 #2
#2 : INC R2 #3 ..... Initialisiere R2 := 1
#3 : IFZ R1 #6 #4 ..... Additionsschleife
#4 : DEC R1 #5
#5 : INC R2 #3
#6 : HALT
    
```



Beispiel: Maximum von drei Zahlen „max(2, 1, 3)“

- $R_5 := \max(R_1, R_2, R_3)$
- Idee: $R_4 := \max(R_1, R_2)$; $R_5 := \max(R_4, R_3)$
- gesamtes Netzwerk: 142 Spezies und 223 Reaktionen



T. Hinze, R. Fassler, T. Lenser, N. Matsumaru, P. Dittrich. Event-Driven Metamorphoses of P Systems.
Lecture Notes in Computer Science 5391:231-245, 2009

Fazit

- Durch Emulation von Registermaschinen ist der konstruktive Nachweis erbracht, dass chemische Reaktionsnetzwerke die *Berechnungsstärke von Turingmaschinen* besitzen und somit *frei programmierbar* sind.

Fazit

- Durch Emulation von Registermaschinen ist der konstruktive Nachweis erbracht, dass chemische Reaktionsnetzwerke die *Berechnungsstärke von Turingmaschinen* besitzen und somit *frei programmierbar* sind.
- Ähnlich wie das *Eingabe-Ausgabe-Band* der Turingmaschine bei Bedarf verlängert wird, vergrößert man hier falls notwendig die *Register* um weitere Spezies und die verbindenden Reaktionen.

Fazit

- Durch Emulation von Registermaschinen ist der konstruktive Nachweis erbracht, dass chemische Reaktionsnetzwerke die *Berechnungsstärke von Turingmaschinen* besitzen und somit *frei programmierbar* sind.
- Ähnlich wie das *Eingabe-Ausgabe-Band* der Turingmaschine bei Bedarf verlängert wird, vergrößert man hier falls notwendig die *Register* um weitere Spezies und die verbindenden Reaktionen.
- Theoretisch könnte man alle imperativ notierten *Algorithmen* in ein chemisches Modell *abbilden*, aber das wäre aus praktischer Sicht nicht sinnvoll.

Fazit

- Durch Emulation von Registermaschinen ist der konstruktive Nachweis erbracht, dass chemische Reaktionsnetzwerke die *Berechnungsstärke von Turingmaschinen* besitzen und somit *frei programmierbar* sind.
- Ähnlich wie das *Eingabe-Ausgabe-Band* der Turingmaschine bei Bedarf verlängert wird, vergrößert man hier falls notwendig die *Register* um weitere Spezies und die verbindenden Reaktionen.
- Theoretisch könnte man alle imperativ notierten *Algorithmen* in ein chemisches Modell *abbilden*, aber das wäre aus praktischer Sicht nicht sinnvoll.
- Von der Möglichkeit massiver Parallelverarbeitung wurde hier nicht Gebrauch gemacht, aber sie lässt sich vorteilhaft einsetzen, wenn man die innere Struktur von Molekülen (z.B. DNA) geeignet nutzt, so dass Chomsky-Grammatiken nachgebildet werden.